



75763US_error correction
SEQUENCE LISTING

<110> El-Gewely, Mohamed Raafat
El-Gewely, Mohamed Raafat
Gardner, Rebecca

<120> Methods of screening molecular libraries and active molecules
identified thereby

<130> MBHB-04-585 (59.68.75763/001)

<150> PCT/GB03/00291
<151> 2003-01-03

<160> 51

<170> PatentIn version 3.3

<210> 1
<211> 21
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> secretion signal peptide

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(21)
<223> secretion signal peptide

<400> 1

Met Glu Thr Asp Thr Leu Leu Leu Trp Val Leu Leu Leu Trp Val Pro
1 5 10 15

Gly Ser Thr Gly Asp
20

<210> 2
<211> 49
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> transmembrane domain

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(49)
<223> transmembrane domain

<400> 2

Ala val Gly Gln Asp Thr Gln Glu Val Ile Val Val Pro His Ser Leu
1 5 10 15

Pro Phe Lys Val Val Val Ile Ser Ala Ile Leu Ala Leu Val Val Leu
Page 1

20

Thr Ile Ile Ser Leu Ile Ile Leu Ile Met Leu Trp Gln Lys Lys Pro
35 40 45

Arg

<210> 3
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> peptide derivative

<220>
<221> VARIANT
<222> (1)..(5)
<223> peptide derivative

<400> 3

Met Gly Trp Cys Thr
1 5

<210> 4
<211> 190
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> vector

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(190)
<223> vector

<220>
<221> variation
<222> (1)..(190)
<223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>
<221> variation
<222> (1)..(190)
<223> k= G or T in equal molar ratio

<400> 4
ttgacgcaaa tgggcggtag gcgtgtacgg tgggaggtct atataagcag agctcgttta 60
gtgaaccgtc agatctctag aagctgggta ccagctgcta gcaagcttgc tagcggccgc 120
tcgaggccgg caaggccgga tccagacatg ataagataca ttgatgagtt tggacaaacc 180
acaactagaa 190

75763US_error correction

<210> 5
 <211> 70
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> vector

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(70)
 <223> vector

<220>
 <221> variation
 <222> (1)..(70)
 <223> n= A, C, G or T in equal molar ratio

<220>
 <221> variation
 <222> (1)..(70)
 <223> k= G or T in equal molar ratio

<400> 5
 aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknktgata aggatccaag 60
 cttgaattca 70

<210> 6
 <211> 23
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> synthetic sequence

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(23)
 <223> synthetic sequence

<400> 6
 aagagctcgg taccaagaag gag 23

<210> 7
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> synthetic sequence

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(25)
 <223> synthetic sequence

75763US_error correction

<400> 7
ctgaattcaa gcttgatcc ttatc 25

<210> 8
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 8
agagctcgtt tagtgaaccg 20

<210> 9
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 9
gtggtttgtc caaactcatc 20

<210> 10
<211> 55
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(55)
<223> library sequence

<400> 10
ggtaccaaga aggagtttac atatgggatg gtgtacttga taaggatcca agctt 55

<210> 11
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

75763US_error correction

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 11
ctacctcagg cagctcaagc

20

<210> 12
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 12
agacagcacc ctcatcatgc

20

<210> 13
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 13
tggtgctcat cttaatggcc

20

<210> 14
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

75763US_error correction

<400> 14
tgacaaaacc taacttgcgc 20

<210> 15
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> primer

<400> 15
aagcagtggc aacaacgcag agtact 26

<210> 16
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(23)
<223> primer

<400> 16
aagcagtggc aacaacgcag agt 23

<210> 17
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 17
atctaagctt gaggcttcag cccgggaatt ccag 34

<210> 18
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

75763US_error correction

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 18
atctaccggt gccagcagtg gcgccgtcca acag

34

<210> 19
<211> 31
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(31)
<223> primer

<400> 19
aataaccggt gtcgccacca tggtagagcaa g

31

<210> 20
<211> 34
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(34)
<223> primer

<400> 20
aataatctag aacttgtaga gctcgtccat gccg

34

<210> 21
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(22)
<223> primer

75763US_error correction

<400> 21
tcgtaaataca ctgcataatt cg 22

<210> 22
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(22)
<223> primer

<400> 22
gtccatacccc tttttacgtg aa 22

<210> 23
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(22)
<223> primer

<400> 23
gattagcgga tcctacctga cg 22

<210> 24
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(22)
<223> primer

<400> 24
gccaggcaaa ttctgtttta tc 22

<210> 25
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

75763US_error correction

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 25
tcaggtcggg aattatcgca ttat

24

<210> 26
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 26
tcgccgtaat ggctagtcac atcc

24

<210> 27
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 27
taatacgact cactataggg

20

<210> 28
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(17)
<223> primer

75763US_error correction

<400> 28
attaaccctc actaaag 17

<210> 29
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 29
cgattacgcg tgaatctaac agcc 24

<210> 30
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(24)
<223> primer

<400> 30
ggctgttaga ttcacgcgta atcg 24

<210> 31
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 31
cctgatgctg atgccagatg agcgc 25

<210> 32
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

75763US_error correction

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 32
gcgctcatct ggcacagca tcagg

25

<210> 33
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 33
gataatgtgc gcgtcgaata

20

<210> 34
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 34
tttgcggaaa cgcagatcgt

20

<210> 35
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

75763US_error correction

<400> 35
gtgtcgccct tattcccttt

20

<210> 36
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 36
ggcacctctc tcagcgatct

20

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 37
agcgaatacg tcttccgtca

20

<210> 38
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(20)
<223> primer

<400> 38
gatggctggt ttccatcagt

20

<210> 39
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial

75763US_error correction

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(21)
<223> library sequence

<400> 39
atggggttttt ggaggtgata a

21

<210> 40
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(5)
<223> library sequence

<400> 40
Met Gly Phe Leu Arg
1 5

<210> 41
<211> 5
<212> PRT
<213> Artificial

<220>
<223> library sequence

<220>
<221> UNSURE
<222> (1)..(5)
<223> library sequence

<400> 41
Met Gly Phe Trp Arg
1 5

<210> 42
<211> 71
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

75763US_error correction

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(71)
<223> primer

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> N= A, T, G or C

<220>
<221> variation
<222> (1)..(71)
<223> K= G or T

<400> 42
aagagctcgg taccaagaag gagtttacat atgggannkn nknktgata aggatccaag      60
cttgaattca g                                                              71

<210> 43
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(23)
<223> primer

<400> 43
aagagctcgg taccaagaag gag                                              23

<210> 44
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> primer

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(25)
<223> primer

<400> 44
ctgaattcaa gcttgatcc ttatc                                           25

<210> 45
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

```

75763US_error correction

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 45

agagctcgtt tagtgaaccg

20

<210> 46

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(20)

<223> primer

<400> 46

gtggtttgtc caaactcatc

20

<210> 47

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(23)

<223> primer

<400> 47

aagagctcgg taccaagaag gag

23

<210> 48

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> primer

<220>

<221> misc_feature

<222> (1)..(25)

<223> primer

<400> 48

ctgaattcaa gcttgatcc ttatc

25

<210> 49
 <211> 25
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> library sequence

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(25)
 <223> library sequence

<400> 49
 caagcttgct agcagctggt accca

25

<210> 50
 <211> 84
 <212> DNA
 <213> Artificial

<220>
 <223> library sequence

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1)..(84)
 <223> library sequence

<400> 50
 cctcgagctg ccgctagcaa gcttgatcc ttatcaagta caccatccca tatgtaaact
 ccttcttggt acccagcttc taga

60

84

<210> 51
 <211> 5
 <212> PRT
 <213> Artificial

<220>
 <223> peptide

<220>
 <221> PEPTIDE
 <222> (1)..(5)

<220>
 <221> VARIANT
 <222> (1)..(5)
 <223> X= G or M or V

<400> 51

Met Xaa Trp Cys Thr
 1 5

75763US_error correction